Рис. 1. Филогенетическое дерево, построенное на основе частот групп аллелей генов HLA-A, -B, -DRB1 у русских и представителей других популяций.

По оси абсцисс ‒ генетическая дистанция; по оси ординат ‒ популяции, включенные в анализ генетических дистанций.

Fig. 1. Phylogenetic tree built on the basis of the frequencies of HLA-A, -B, -DRB1 allele groups in Russians and representatives of other populations.

The abscissa is the genetic distance; the ordinate is the populations included in the analysis of genetic distances.