Рисунок 1. Частоты иммуногенных аллелей МАГ российской популяции наиболее близки к частотам для европейской популяции. А. Частоты иммуногенных аллелей МАГ в российской популяции и соответствующие частоты суперпопуляций проекта «1000 геномов» (http://www.internationalgenome.org), для кодоминантных МАГ указана только частота одного из двух аллелей; Слева (белые столбцы) – частоты по данным «НМИЦ гематологии», справа (черные столбцы) – частоты для соответствующей суперпопуляции из «1000 геномов». Б. Сопоставление описанных частот методом главных компонент (PCA), проецирующим все частоты для каждой популяции на одну плоскость.

Рисунок 2. Распределение вероятности числа иммуногенных несоответствий МАГ для родственных и неродственных пар. Количество иммуногенных несоответствий для родственных и неродственных пар в российской популяции было рассчитано в результате компьютерной симуляции (ломаные линии) и определено в 40 HLA-совместимых парах донор-реципиент: 20 родственных и 20 неродственных пар (столбики).